



GRUPO DE HABLA ESPAÑOLA Y PORTUGUESA DE LA ISFG  
GRUPO DE LINGUAS ESPANHOLA E PORTUGUESA DA ISFG



CIENCIAS FORENSES  
Ministerio de Justicia  
INSTITUTO NACIONAL DE TOXICOLOGÍA Y CIENCIAS FORENSES  
DEPARTAMENTO DE MADRID  
SERVICIO DE GARANTÍA DE CALIDAD

El Laboratorio

## HEREDITAS TECNOLOGIA EM ANÁLISE DE DNA

Ha participado en el Ejercicio 2013 con el precinto

20328

Se adjuntan los certificados de participación y evaluación de resultados, remitiéndose los siguientes documentos:

Parentesco Básico

*Las Rozas de Madrid, 18 de Octubre de 2013*



Koro Fernández Oliva  
Coordinadora del Ejercicio



## EJERCICIO DE INTERCOMPARACIÓN “ESTUDIO DE POLIMORFISMOS DE ADN EN MANCHAS DE SANGRE Y OTRAS MUESTRAS BIOLÓGICAS”

**El Laboratorio con Precinto** 20328

Ha participado en el **Módulo de Parentesco, nivel básico** del ejercicio correspondiente al año 2013, consistente en un ejercicio práctico con el análisis de una muestra de sangre y dos de saliva, y un ejercicio teórico.

Los análisis realizados y la evaluación de los resultados obtenidos se muestran en las siguientes tablas.

### Estudio práctico de parentesco

<i>STRs Autosómicos</i>				<i>STRs Cromosoma Y</i>			<i>STRs Cromosoma X</i>			
<i>Marcador</i>	<i>Ev M1</i>	<i>Ev M2</i>	<i>Ev M3</i>	<i>Marcador</i>	<i>Ev. M1</i>	<i>Ev. M3</i>	<i>Marcador</i>	<i>Ev M1</i>	<i>Ev M2</i>	<i>Ev M3</i>
AMELOGENINA	N	C	N	DYS_389_I	C	C	DXS8378	C	C	C
D21S11	C	C	C	DYS_390	C	C	DXS9898	C	C	C
D7S820	C	C	C	DYS_389_II	C	C	DXS7133	C	C	C
CSF1PO	C	C	C	DYS_19	C	C	GATA172D05	C	C	C
D3S1358	C	C	C	DYS_385	C	C	DXS7423	C	C	C
TH01	C	C	C	DYS_393	C	C	DXS6809	D	C	C
D13S317	C	C	C	DYS_391	C	C	DXS7132	C	C	C
D16S539	C	C	C	DYS_392	C	C	DXS6789	C	C	C
D2S1338	C	C	C							
D19S433	C	C	C							
VWA	C	C	C							
TPOX	C	C	C							
D5S818	C	C	C							
FGA	C	C	C							
Penta_D	C	C	C							
Penta_E	C	C	C							
D12S391	C	C	C							
FES_FPS	C	C	C							
F13A01	C	C	C							
F13B	C	C	C							
LPL	C	C	C							

C= Correcto; D= Discrepante; N= Discrepancia de nomenclatura o formato; T=Error de transcripción;  
NA= No analizado; SR= Sin valor de referencia

